

## **Když ribozomální DNA neříká pravdu: případ taxonomické pozice *Kurtia* sp. (*Hymenochaetales*), mykorrhizního symbionta erikoidních rostlin**

MIROSLAV KOLAŘÍK<sup>1\*</sup>, MARTIN VOHNÍK<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Laboratoř genetiky a metabolismu hub, Mikrobiologický ústav AV ČR, v.v.i., Vídeňská 1083, 142 20 Praha 4

<sup>2</sup>Oddělení mykorrhizních symbióz, Botanický ústav AV ČR, v.v.i., Zámek 1, 252 43 Průhonice

\*mkolarik@biomed.cas.cz

Sekvence jaderné ribozomální DNA je u *Agaricomycetes* často používána pro identifikaci a studium fylogenetických vztahů. Nicméně tato fylogenetická pozice může být v rozporu se skutečnou fylogenetickou pozicí zjištěnou na základě alternativních markerů.

V naší studii jsme zjišťovali taxonomickou pozici stopkovýtrusné houby, která tvoří nedávno objevený nový typ mykorrhizy s vřesovcovitými rostlinami. Sekvence rDNA této houby se liší od ostatních hub svojí nukleotidovou skladbou, délkou a sekundární strukturou. Fylogenetická pozice zjištěná na základě rDNA navíc nesouhlasí s pozicí zjištěnou na základě jiných genů a morfologie. Tato houba byla zařazena do příbuznosti druhu *Kurtia argillacea* (= *Hyphoderma argillaceum*) (*Basidiomycota: Hymenochaetales*). Bioinformatická analýza ukázala, že její rDNA není pseudogen či hluboký paralog, ale spíše úsek s relativně rychlejší substituční rychlostí, či nestandardní nukleotidovou skladbou. Tento fenomén může být u hub častější a je ho třeba brát v potaz, když je tento gen použit jako jediný zdroj informací o fylogenetické pozici. Tato houba je zároveň jediný potvrzený erikoidní symbiont mezi stopkovýtrusnými houbami, který nepatří do řádu *Sebacinales*.